

TAATAGCTCA TGGGAGATAG AGGCCAGGC ATTTTTATA TTATCAGATC 3250
AGCATCCAA CATAATTCA CCACACCTCA CATTCTCAGA AGGATTGGAT 3300
GAACCTTTGA AATTGGAGGG AAATTTCCCT GAAGAAAATA ATGATAAAAAA 3350
GTCTATCTAT TATTTAGGGG TCACCTCAAT CAAAAAGAGA GAGAGTGGTG 3400
5 TGCTTTGAC TGACAAGTCA AGGGTATCGT GCCCATTCCC AGCCCCCTGT 3450
TTATTCACGG ACATCAGAGT TCTCCAGGAC AGTTGCTCAC ACTTTGTAGA 3500
AAATAATATC AACTTAGGAA CTTCTAGTAA GAAGACTTTT GCATCTTACA 3550
TGCCTCAATT CCAAACTTGT TCTACTCAGA CTCATAAGAT CATGGAAAAC 3600
AAGATGTGTG ACCTAACTGT GTAATTTCAC TGAAGAAACC TTCAGATTG 3650
10 TGTTATAATG GGTAAATATAA AGTGTAAATAG ATTATAGTTG TGGGTGGGAG 3700
AGAGAAAAGA AACCCAGAGTC AAATTTGAAA ATAATTGTTC CAAATGAATG 3750
TTGTCTGTTT GTTCTCTCTT AGTAACATAG ACAAAAAATT TGAGAAAGCC 3800
TTCATAAGCC TACCAATGTA GACACGCTCT TCTATTTAT TCCCAAGCTC 3850
TAGTGGGAAG GTCCCTTGTT TCCAGCTAGA AATAAGCCCA ACAGACACCA 3900
15 TCTTTGTGA GATGTAAATTG TTTTTTCAGA GGGCGTGTG TTTTACCTCA 3950
AGTTTTGTT TTGTACCAAC ACACACACAC ACACACATTC TTAACACATG 4000
TCCTTGTGTG TTTGAGAGT ATATTATGTA TTTATATTTT GTGCTATCAG 4050
ACTGTAGGAT TTGAAGTAGG ACTTCCTAA ATGTTAAGA TAAACAGAAT 4100

TC 4102

20 (2) INFORMATION FOR SEQ ID NO:2:

(i) SEQUENCE CHARACTERISTICS:
(A) LENGTH: 1165 amino acids
(B) TYPE: Amino Acid
(D) TOPOLOGY: Linear